

不含片段化功能的快速DNA文库制备流程(Illumina 平台)

—TIANSeq Fast DNA Library Prep Kit (NG202)

片段化 DNA 文库制备

适用样本类型	DNA 片段
样本起始量	0.25 ng-1 μg

特点

- 适用于片段化DNA的快速文库构建
- 低起始量样本，适合0.25 ng ~ 1 μg样本的高效转化
- 简便、快速，省去多步纯化流程，整个建库流程仅需 2 hr

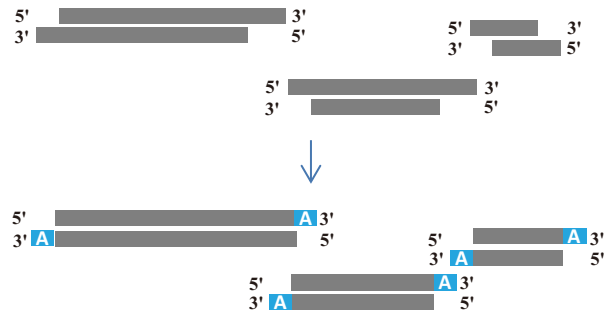
快速一站式建库方案 (illumina)



Step1

末端修复/添加A尾

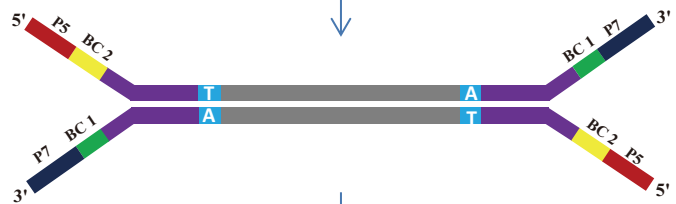
- TIANSeq End repair/dA-tailing Module 可将末端修复、A尾添加等反应一步完成。



Step2

接头连接

- 使用TIANSeq Fast Ligation Module在DNA片段两端连接含有1-2个Barcode序列的接头。
- 接头中已经含有测序所需的P5及P7序列，可根据片段化DNA的起始上样量，选择将连接产物纯化后直接用于NGS测序，或进行PCR扩增后再进行测序。



Step3

PCR富集

- 由于接头上含有P5及P7序列，利用P5及P7引物可使用TIANSeq NGS Library Amplification Module直接对文库进行PCR富集。

